

# 30 de Setembro 2022

11h30 - Auditório  
Parque de Feiras e Exposições

## Patrimónios do Sul



## Do diagnóstico clínico da peeira à bioinformática: desafios e oportunidades



Este seminário visa apresentar o diagnóstico e prevenção da peeira, desde o ponto de vista clínico ao uso de algumas ferramentas bioinformáticas que têm sido aplicadas pela equipa do CEBAL com o intuito de caracterizar o microbioma nos diferentes graus de lesão e associar variações genéticas à resistência à doença, mostrando ao público o potencial da sua utilização na valorização e conservação de espécies endógenas. Os trabalhos apresentados foram desenvolvidos no contexto do projeto Gen-Res-Alentejo, o qual foi liderado pela ACOS (Associação de Agricultores do Sul) em parceria com a Universidade de Évora, com o CEBAL, com o INIAV (Instituto Nacional Investigação Agrária Veterinária) e com a DRAPAL (Direção Regional de Agricultura e Pescas do Alentejo).

### PROGRAMA

**11h30 – Sessão de abertura**

**11h40 – Peira: principais fatores de risco, diagnóstico e prevenção**

**Pedro Caetano** (Hospital Veterinário - Universidade de Évora)

**12h00 – Caracterização do microbioma da peira através da utilização de novas tecnologias de sequenciação**

**Ana Usié** (CEBAL, MED, CHANGE)

**12h20 – Utilização de ferramentas genómicas para a identificação de marcadores moleculares associados a resistência a peira**

**Daniel Gaspar** (CEBAL, CIBIO)

**12h40 – Discussão, notas finais e encerramento**

**GEN-RES  
ALENTEJO**

Entidades promotoras:



Co-financiamento:



**FCT** Fundação para a Ciência e a Tecnologia

**REPÚBLICA PORTUGUESA**





## Notas biográficas



**Pedro Caetano** é Médico Veterinário desde 2014, ano em que concluiu o Mestrado Integrado em Medicina Veterinária na Universidade de Évora. Após um período breve em que trabalhou como médico veterinário assistente numa exploração agropecuária, iniciou funções como técnico superior no Hospital Veterinário da Universidade de Évora em 2015. Desde então e até ao início de 2022, exerce funções nas áreas clínica (médica e cirúrgica) e de assistência reprodutiva em espécies pecuárias no Hospital Veterinário e equinos no da Universidade de Évora e na Unidade Clínica de Alter do Chão. Além destas funções também acompanhou os ensinamentos dos cursos de Medicina Veterinária e de Ciência e Tecnologia Animal da Universidade de Évora, na componente prática relacionada com animais de produção e equídeos. A partir de 2017/2018 começou também a desempenhar funções como docente convidado dos Departamentos de Medicina Veterinária e de Zootecnia da Universidade de Évora. Em fevereiro de 2021 obteve o título de Doutor através do Programa de Doutoramento em Ciências Veterinárias da Universidade de Évora. Durante o seu doutoramento desenvolveu investigação sobre a doença infecciosa peiorária ovina nas áreas da clínica, epidemiologia e microbiologia. Atualmente conjuga as funções de docente auxiliar convidado com a de Médico Veterinário na Empresa Multivet – Serviços Veterinários de Equinos e Espécies Pecuárias, onde exerce nas áreas da clínica, cirurgia, medicina da produção, sanidade e assistência reprodutiva em espécies pecuárias e equinos.



**Ana Usié** é licenciada em Engenharia Técnica em Gestão de Computadores (2007), mestre em Engenharia Informática Sénior (2010) e em Engenharia de Software Livre (2010), pela Universidade de Lleida (Catalunha, Espanha). Obteve o doutoramento em Bioinformática através do Programa de Doutoramento em Saúde Molecular da mesma universidade em 2014. Dois meses depois mudou-se para Portugal e continuou a sua carreira no CEBAL onde integrou o grupo de Genómica Animal e Bioinformática. Ana Usié é membro integrado da unidade de investigação do Instituto Mediterrâneo para a Agricultura, Ambiente e Desenvolvimento (MED). O seu trabalho centra-se na análise e processamento de dados de sequenciação obtidos com tecnologias de sequenciação de última geração. Tem estado envolvida em vários projetos nacionais e internacionais, trabalhando com espécies vegetais e animais. As atividades desenvolvidas nestes projetos incluíram montagem *de novo* de genomas e transcriptomas, identificação de variantes como SNPs, SVs e CNVs, metagenómica e análise de expressão diferencial, entre outros. Durante sua carreira teve a oportunidade de treinar e orientar novos membros do grupo, bem como alunos de estágio, e coorientar teses de licenciatura, mestrado e doutoramento.

Entidades promotoras:



Co-financiamento:





## Notas biográficas



**Daniel Gaspar** é licenciado em Biotecnologia (2011) e mestre em Bioinformática e Biologia Computacional (2016), pela Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa (Lisboa, Portugal). Atualmente é aluno de doutoramento no Programa de Biodiversidade, Genética e Evolução da Universidade do Porto. O seu trabalho foca-se na análise e processamento de dados de sequenciação obtidos com tecnologias de sequenciação de última geração. Tem estado envolvido em vários projetos nacionais e internacionais em diferentes espécies vegetais e animais. As atividades desenvolvidas no contexto destes projetos incidiram principalmente em análises de dados de (re)-sequenciação total de genomas para o desenvolvimento de estudos de associação genótipo-fenótipo, diversidade genómica e caracterização de estruturas populacionais, e na análises de dados de transcriptómica para a identificação de genes candidatos associados à stresses bióticos e abióticos, entre outros.

Entidades promotoras:



Co-financiamento:

